

Abfragen, Emu, und Emu-R Beziehungen

(Datenbank sabinevot)

Emu starten, Database Operations -> Query Database

Add to list *

um Abfragen aus allen Äußerungen durchzuführen

Alle [d] Verschlüsse

Phonetik = d

Als Segmentliste speichern (z.B. d.txt) in einem Verzeichnis (z.B. pfad)

R starten

```
library(emu)
```

```
# Segmentliste einlesen
```

```
read.emusegs("pfad/d.txt")
```

```
# Oder
```

```
emu.query("sabinevot", "*", "Phonetik = d")
```

Einfache Abfragen

```
Wort = dachs
```

```
Phonetik = d | t
```

```
Phonetik != x
```

```
Zahl != x
```

Reihenfolgen-Abfragen (NB: immer aus derselben Ebene)

```
[Phonetik = d -> Phonetik = h]
```

```
[#Phonetik = d -> Phonetik = h]
```

```
[Phonetik = d -> #Phonetik = h]
```

```
[Phonetik = d | t -> Phonetik = h]
```

Hierarchische Abfragen

```
[Phonetik = d ^ Wort = dachs]
```

```
[Phonetik = d ^ Wort = dachs | dachlatte]
```

```
[Wort !=x ^ Phonetik = t]
```

Parallel-Abfragen

```
Wort = dachs & Vpn = smb
```

```
Wort = dachs & Vpn = smb & Zahl = 1
```

```
Wort != x & Zahl = 3
```

```
[Phonetik = d ^ Wort = dachs & Zahl = 1 & Vpn = smb]
```

```
[Phonetik = d ^ #Wort = dachs & Zahl = 1 & Vpn = smb]
```

Reihenfolgen und hierarchische Abfragen mit emu.requery()

```
# Segmentliste von h
```

```
h.s = emu.query("sabinevot", "*", "Phonetik = h")
```

```
# Die davorkommenden Segmente
```

```
ver.s = emu.requery(h.s, "Phonetik", "Phonetik", seq=-1)
```

```
# Wie oben aber nur die Etikettierungen davon
```

```
ver.l = emu.requery(h.s, "Phonetik", "Phonetik", seq=-1, j=T)
```

```
# Die Wörter davon
```

```
wort.s = emu.requery(h.s, "Phonetik", "Wort")
```

```
# Silbenanzahl, nur die Etikettierungen
```

```
zahl.l = emu.requery(h.s, "Phonetik", "Zahl", j=T)
```